

种子纯度分析报告

客户单位：_____

服务单位：_____武汉市景肽生物科技有限公司

年 月 日

➤ 样本信息

- ◇ 送检样本：
- ◇ 收样时间：
- ◇ 分析时间：

➤ 分析方法

- ◇ 分析方法：每个材料采用 2 个 SNP 标记，分析 188 株待测样本，根据 SNP 标记分型结果计算送检样本中真杂种占比，计算种子纯度

- ◇ 种子纯度计算方法：

最高纯度 = 有效数据株数 - 确定杂株数/有效数据株数

最低纯度 = 确定真杂种株数/有效数据株数

➤ 结果

指标
有效数据株数
确定真杂种株数
母本型杂株数
父本型杂株数
其他型杂株数
最高纯度
最低纯度

说明:

- (1) “有效数据株数”为总单株数减去双亲阳性对照、空白阴性对照和无效数据
- (2) “确定杂株数”为双标记位点基因型一致为父本或母本的单株数
- (3) “确定真杂种株数”为双标记位点基因型一致为杂合的单株数
- (4) “其他型杂株”为双标记位点基因型不一致的单株，此类杂株不能确定是否为杂株。造成此结果的可能原因有：
 - 1) 生产用亲本不纯，会造成某些位点杂株检出率过高，此类假杂株可能不会导致群体杂种优势的降低；
 - 2) 此杂株为外来混杂，即串粉、机械混杂等造成的非亲本性混杂。

➤ 结论

待测样本_____的种子纯度为_____。

注意:

- (1) 分子标记结果一般低于田间鉴定结果，二者有统计学意义相关性，但单独观察个别样本，不一定遵循此相关性规律。
- (2) 此结果仅对送检样本负责，此结果不具法律效力，仅供内控参考。



武汉市景肽生物科技有限公司

📍 武汉市东湖开发区高新大道 888 号 B 区 20 栋

☎ 027-65317882

🌐 www.gentides.com

✉ sales@gentides.com